

# Preceptorship.

Programa de duración de un solo día, con repetición de las sesiones durante tres días consecutivos.

Se celebrará en:

**Oficinas Pfizer España**  
**Avda. Europa 20-B.**  
**28108 Alcobendas (Madrid)**



## Horarios

**Mañanas:**  
10:00 – 13:00 h  
**Tardes:**  
14:30 – 18:00 h



## Dirigido a

Personal sanitario, especialmente Biólogos moleculares y patólogos.

Colaboran:



Secretaría técnica:



Con el apoyo financiero de:



ORGANIZA:



**9-10-11**  
**JUN 2026**

**II Preceptorship:**  
**Análisis de Genes HRR**  
**en Cáncer de Próstata**  
**mediante NGS**

## MAÑANAS 10:00 - 13:00 H

10:00 - 11:30 H  
(DAVID OLMOS, ADRIANA CALAPAQUI  
Y JAVIER FREIRE)

### HRR en próstata

- Importancia clínica
- Manejo de la muestra
- ¿Qué hemos aprendido?

11:35 - 12:15 H  
(JAVIER FREIRE)

### NGS en genes HRR: amplicones vs captura híbrida

- Principios de diseño
- Ventajas e inconvenientes según contexto clínico
- Ejemplos de paneles comerciales

12:15- 13:15 H  
(JAVIER FREIRE)

### Introducción a la bioinformática aplicada a HRR

- Procesamiento de datos (pipeline básico)
- Análisis de calidad, alineamiento, detección de variantes
- Limitaciones técnicas en regiones complejas

## 13:15 - 14:25 H COMIDA

## TARDES 14:30 - 18:00 H

14:30 - 16:00 H  
(MICHELE BISCUOLA)

### Análisis práctico de variantes complejas

- Casos reales con variantes de significado incierto
- Herramientas para evaluación in silico
- Discusión interactiva en grupo

16:00 - 16:15 H  
PAUSA CAFÉ

16:15 - 17:15 H  
(MICHELE BISCUOLA)

### Revisión de guías para la clasificación de variantes en genes HRR

- ACMG/AMP, ENIGMA, ClinGen
- Uso de bases de datos: ClinVar, LOVD, gnomAD
- Recomendaciones específicas para BRCA1/2, PALB2, CDK12

17:15 - 18:00 H  
(MICHELE BISCUOLA / JAVIER FREIRE)

### Revisión de CNVs en genes HRR por NGS

- Detección de grandes deleciones/duplicaciones
- Herramientas bioinformáticas para CNVs
- Ejemplos clínicos y validación



## Programa

## Análisis de Genes HRR en Cáncer de Próstata mediante NGS

