

Preceptorship.

Programa de duración de un solo día, con repetición de las sesiones durante tres días consecutivos.

Se celebrará en la sede de **Anatomía Patológica del Hospital Universitario Marqués de Valdecilla** y la secretaría técnica es **Sanander**.



Horarios

Mañanas:
10:00 – 13:00 h
Tardes:
14:30 – 18:00 h



Dirigido a

Personal sanitario, especialmente Biólogos moleculares y patólogos.

Colaboran:



ORGANIZA:



**20-22
OCT 2025**

Con el apoyo financiero de:



Preceptorship:
Análisis de Genes HRR en Cáncer de Próstata mediante NGS

MAÑANAS 10:00 - 13:00 H

10:00 - 10:20 H
(IGNACIO DURÁN Y/O MARTA SOTELO)

Introducción y epidemiología de los genes HRR en próstata

- Epidemiología de los genes HRR en cáncer de próstata
- Implicación clínica de las variantes de HRR

10:20 - 11:05 H
(ADRIANA CALAPAQUI Y JAVIER FREIRE)

Aspectos de pretratamiento, selección de bloques y evaluación de celularidad tumoral

- Tipos de muestras válidas para HRR
- Recomendaciones preanalíticas
- Evaluación de celularidad mínima y macro/microdissección

11:05 - 11:45 H
(JAVIER FREIRE)

NGS en genes HRR: amplicones vs captura híbrida

- Principios de diseño
- Ventajas e inconvenientes según contexto clínico
- Ejemplos de paneles comerciales

11:45- 12:45 H
(JAVIER FREIRE)

Introducción a la bioinformática aplicada a HRR

- Procesamiento de datos (pipeline básico)
- Análisis de calidad, alineamiento, detección de variantes
- Limitaciones técnicas en regiones complejas

13:00 - 14:30 H COMIDA

TARDES 14:30 - 18:00 H

14:30 - 15:30 H
(MICHEL BISCUOLA)

Revisión de guías para la clasificación de variantes en genes HRR

- ACMG/AMP, ENIGMA, ClinGen
- Uso de bases de datos: ClinVar, LOVD, gnomAD
- Recomendaciones específicas para BRCA1/2, PALB2, ATM, CHEK2

15:30 - 16:00 H
(MICHELE BISCUOLA / JAVIER FREIRE)

Revisión de CNVs en genes HRR por NGS

- Detección de grandes deleciones/duplicaciones
- Herramientas bioinformáticas para CNVs
- Ejemplos clínicos y validación

16:00 - 16:15 H
PAUSA CAFÉ

16:15 - 18:00 H
(MICHELE BISCUOLA / JAVIER FREIRE)

Análisis práctico de variantes complejas

- Casos reales con variantes de significado incierto
- Herramientas para evaluación in silico
- Discusión interactiva en grupo



Programa

Análisis de Genes HRR en Cáncer de Próstata mediante NGS

